

الجمهورية الجزائرية الديمقراطية الشعبية
REPUBLIQUE ALGERIENNE DEMOCRATIQUE ET POPULAIRE
وزارة التعليم العالي و البحث العلمي
MINISTÈRE DE L'ENSEIGNEMENT SUPÉRIEUR ET DE LA RECHERCHE SCIENTIFIQUE
المدرسة الوطنية العليا للفلاح الحراس - الجزائر.
ECOLE NATIONALE SUPERIEURE AGRONOMIQUE EL HARRACH – ALGER

Mémoire

En vue de l'obtention du Diplôme de master en Agronomie

Département: Productions végétales

Spécialité : Ressources génétiques et amélioration des productions végétales

Thème

Caractérisation moléculaire de 7 cultivars de palmier dattier originaires de la région de la Saoura

Présenté par : NEGGAZ Rahil

Soutenu le 08 /11 /2018

Jury :

Président :	M. LATATI M.	Maitre de conférences A, ENSA
Promotrice:	M ^{me} .LAOUAR M	Maitre de conférences A, ENSA
Co-promotrice :	M ^{me} .KHELAFI.H	Chargée de Recherches, INRAA
Examinateurs :	M ^{me} .TELLAH S.	Maitre de conférences A, ENSA
	M. HADDAD B.	Maitre assistant A, ENSA

Promotion : 2013-2018

Sommaire

Introduction	1
1. Synthèse bibliographique	3
1.1 Généralités sur le palmier dattier	3
1.1.1 Histoire de domestication et origine géographique.....	3
1.1.2 Position systématique et étymologie.....	4
1.1.3 Description botanique	4
1.1.4 Multiplication.....	6
1.1.5 Importance écologique et socio-économique.....	6
1.1.6 Répartition géographique	7
1.1.7 Situation de la phéniculture en Algérie	9
1.2 Principaux marqueurs utilisée pour l'étude de la diversité du palmier dattier	10
1.2.1 Caractères morphologiques.....	10
1.2.2 Les marqueurs biochimiques.....	11
1.2.3 Les marqueurs moléculaires.....	11
1.3 Diversité génétique du palmier dattier en Algérie	13
1.3.1 Le nombre de cultivars.....	13
1.3.2 Répartition des cultivars.....	14
2. Matériel et méthodes.....	16
2.1 Présentation de la zone d'origine du matériel végétal	16
2.2 Matériel végétal	17
2.3 Extraction de l'ADN génomique	19

2.4 Choix des marqueurs SSR	20
2.5 Amplification de l'ADN (PCR).....	22
2.6 Révélation sur gel d'agarose.....	23
2.7 Analyses statistiques	24
3. Résultats.....	25
3.1 Evaluation des méthodes utilisées	25
3.1.1 Extraction et quantification del'ADN	25
3.1.2 Pooling de l'ADN	25
3.2 Diversité génétique au niveau de l'espèce.....	26
3.3 Diversité génétique intra-cultivars.....	28
3.4 Diversité génétique inter-accessions.....	32
4. Discussion.....	35
Conclusion et perspectives	37
Références bibliographiques	
Annexes	

Résumé

L'objectif de notre étude est d'analyser la diversité génétique de 7 cultivars de palmier dattier (*Phoenix dactylifera*) originaires de la région de la Saoura en utilisant 16 marqueurs SSR. L'ADN des 56 échantillons a été extrait à partir des folioles. La PCR a été réalisé en utilisant ADN-poolings (8 échantillons/cultivar). Parmi les 16 marqueurs SSR, 3 n'ont pas amplifié des bandes claires. Le reste des marqueurs ont révélé un nombre total d'allèles de 50. La variabilité intra-cultivars est plus importante que celle intra (AMOVA). Les cultivars sont significativement différents (Fst, richesse allélique) et forment deux groupes distincts (Nei distances génétiques). Une hétérozygotie importante existe chez les 7 cultivars.

Mots clés : diversité génétique, palmier dattier (*Phoenix dactylifera*), la Saoura, marqueurs SSR,

Summary

The goal of our study is to analyze the genetic diversity of 7 date palm cultivars (*Phoenix dactylifera*) originating from the Saoura using 16 SSR markers. DNA from the 56 samples was extracted from the leaflets. PCR was performed using DNA poolings (8 samples / cultivar). Of the 16 SSR markers, 3 did not amplify clear bands. The rest of the markers revealed a total number of alleles of 50. The among-cultivar variability is more important than the within (AMOVA). The cultivars are significantly different (Fst, allelic richness) and form two distinct groups (Nei genetic distances). Significant heterozygosity exists in all 7 cultivars.

Key words: Genetic Diversity, Date Palm (*Phoenix dactylifera*), Saoura, SSR markers.

ملخص

الهدف من دراستنا هو تحليل التنوع الوراثي لسبعة أصناف من نخيل التمر (*Phoenix dactylifera*) المنتقاً من منطقة الساورة باستخدام 16 عالمه SSR تم استخراج الحمض النووي من 56 عينة من الوريقات. تم إجراء PCR باستخدام تجمعات DNA (8 عينات/صنف). من بين 16 عالمه SSR، 3 لم تقم باستنساخ قطع واضحة. كشفت بقية العالماط على عددكلي من اليلات المقدرب 50. الاختلاف بين الصنف يعد أكبر منه داخل الصنف (AMOVA) مثمناف فيما بينها اختلافا واضحا (Fst ، الثروة الاليلية) وتشكل مجموعتين متمايزتين (المسافات الوراثية لني). يوجد اختلاف كبير بين جميع الأصناف.

التتنوع الوراثي ، نخيل التمر (*Phoenix*)

الكلمات المفتاحية :

، الساورة ، عالماط . (*dactylifera*